**通用流感疫苗研究领域科技文献分析报告要求**

**1.报告用途**

用于分析通用流感疫苗研究领域的产出情况及发展趋势，识别全球重要的研究方向。

**2.主要内容**

采用国际通行的文献计量分析方法，基于2010年至2020年Web of ScienceTM核心合集数据库收录的论文数据，从国别、机构和科研人员三个层面揭示通用流感疫苗研究领域的现状及发展趋势。同时结合共被引分析方法生成若干新兴研究方向，进一步追踪该领域的最新进展和发展方向。主要分析内容包含:

第1部分，通用流感疫苗领域科技文献分析

1. 研究领域整体发文趋势分析
2. 全球发文量top10国家/地区（包含中国）发文趋势分析
3. 全球/中国发文量top10科研机构发文趋势分析
4. 全球/中国发文量top10科研人员发文趋势分析

第2部分，通用流感疫苗领域新兴研究方向（ERA）分析

1. 与该领域最相关的10个研究方向
2. 最新出现的10个研究方向
3. 发展较为迅速的10个研究方向
4. 中国科学院微生物研究所参与度最高的10个研究方向

第3部分，1980年至2020年通用流感疫苗领域常被引论文列表

**3.分析指标**

| **指标名称** | **指标描述** |
| --- | --- |
| 论文发文量 | 被Web of ScienceTM核心合集收录的且文献类型为Article、Review和 Proceedings Paper的论文数量。 |
| 论文的引文影响力 | 学科规范化的引文影响力（CNCI） |
| 被引频次排名前10%的论文百分比 | 在某一指定学科领域、某一年、某种文献类型下，被引频次排名前10%的文献数除以该组文献的总数的值，以百分数的形式展现。 |
| 国际合作论文百分比 | 国际合作论文百分比是某论文集中，国际合作论文的数量除以该论文集的论文总数的数值，以百分数的形式表现。 |
| 核心论文数 | 每个研究前沿的核心论文数量在2-50篇之间 |
| 核心论文中属于研究领域的论文数 | 每个研究前沿中属于当前分析研究领域的核心论文数 |
| 施引文献数 | 引用核心论文的文献数量 |
| 核心论文的平均出版年 | 说明研究前沿出现的时间  |
| 施引文献的平均出版年 | 该值越接近当前，说明该研究前沿近期仍然受到科研人员的关注。 |
| 施引文献的年均增长率 | 说明研究前沿受科研人员的关注速度 |
| Porter’s Integration Index | 该值越接近1，说明该研究前沿很可能是基于传统学科衍生出新的研究方向或者学科。 |
| 核心论文中中国机构的参与数量 | 核心论文地址中至少包含一个中国机构的论文数量 |
| ERA全部论文（核心论文+施引文献）中中国机构的参与数量 | 施引文献地址中至少包含一个中国机构的论文数量 |
| 核心论文中中国科学院微生物研究所的参与数量 | 核心论文地址中至少包含一个地址为中国科学院微生物研究所的论文数量 |
| ERA全部论文（核心论文+施引文献）中中国科学院微生物研究所的参与数量 | 施引文献地址中至少包含一个地址为中国科学院微生物研究所的论文数量 |
| 新兴研究方向唯一ID | 新兴研究方向唯一数字编号 |
| 新兴研究方向名称 | 新兴研究方向论文的高频关键词 |
| 新兴研究方向关键词 | 新兴研究方向论文的所有关键词 |
| 新兴研究方向top ESI学科 | 新兴研究方向论文的主要ESI学科 |

**4.交付内容**

1. 以WORD格式提供一份中文的涵盖概述结果的报告。报告将包括
	* 方法论
	* 数据源
	* 分析的表格、图形及描述
	* 结论和发现
2. 新兴研究方向中的核心论文列表和常被引论文列表。以EXCEL格式提供，字段包含WOS入藏号、论文标题、出版年、来源出版物、全部作者和全部作者地址。

**5.交付时间**

最终的报告将在签署合同后12周左右提供。